

عنوان مقاله:

روشی با حساسیت دو برابر برای شناسایی جهش های KRAS در بیماران مبتلا به سرطان کلورکتال

محل انتشار:

اولین کنگره بین المللی و سیزدهمین کنگره ژنتیک ایران (سال: 1393)

تعداد صفحات اصل مقاله: 1

نویسندگان:

آسیه کازرونیان - گروه ژنتیک، دانشکده علوم، دانشگاه شهید چمران، اهواز، ایران

حمید گله داری - مرکز PND بیمارستان شفا، اهواز، ایران

عبدالحسین دلیمی - گروه انگل شناسی، دانشکده علوم پزشکی دانشگاه تربیت مدرس، تهران، ایران

خلاصه مقاله:

سرطان کلورکتال CRC یکی از بدخیمی های شایع در سراسر جهان است و جهش های KRAS یکی از وقایع اولیه در تکوین و پیشرفت این نوع سرطان می باشد. از آن جا که این جهش ها، باعث مقاومت به درمان های هدف گیرنده فاکتور رشد اپیدرمی EGFR می گردد، در حال حاضر انجام آزمون KRAS به عنوان شاخصی برای پیش بینی پاسخ دهی به درمان با EGFR در بیماران CRC ضروری به نظر می رسد. از سوی دیگر، از آن جایی که تومورها معمولا از نظر جهش در این ژن هتروژن هستند، حساسیت روش ارزیابی باید مد نظر قرار گیرد. در مطالعه حاضر، فراوانی جهش KRAS در کدون های 12 و 13 که نقاط داغ جهشی این ژن هستند، در بیماران خوزستانی مبتلا به سرطان کلورکتال تک گیر با دو روش متفاوت بررسی و نتایج مقایسه شد. روش اول، روشی متداول با حساسیت معمول برای شناسایی جهش در سلول های توموری بود؛ در حالی که روش دوم روشی با حساسیت بالا با قابلیت شناسایی جهش هایی با فراوانی کم در نمونه ها بود. در نهایت حضور جهش ها با توالی یابی تایید شد. تعداد تومورهای دارای جهش که توسط روش دوم شناسایی گردید، دو برابر تعداد تومورهای جهش یافته ای بود که روش اول قادر به شناسایی آن ها بود. این امر اهمیت استفاده از روش دوم را به عنوان روش تشخیصی پیش از ارجاع بیماران برای درمان های هدف گیرنده EGFR نشان می دهد.

کلمات کلیدی:

سرطان کلورکتال ، KRAS ، تحلیل جهش

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/328674>

