

عنوان مقاله:

تعمین نوازی اکسون در توالی DNA باعث مدل ترکیبی فیلتر معکوس میان گذر تیز و الگوریتم گورتزل

محل انتشار:

هشتمین کنفرانس ماشین بینایی و پردازش تصویر ایران (سال: 1392)

تعداد صفحات اصل مقاله: 6

نویسندگان:

حمیدرضا صابر کاری - دانشکده مهندسی برق - دانشگاه صنعتی سهند تبریز

موسی شمسی - دانشکده مهندسی برق - دانشگاه صنعتی سهند تبریز

محمدحسین صدیقی - دانشکده مهندسی برق - دانشگاه صنعتی سهند تبریز

خلاصه مقاله:

در این مقاله یک الگوریتم به سینه بر مبنای مدل ترکیبی فیلتر معکوس میان گذر تیز و الگوریتم گورتزل به منظور تأمین نواحی کد کننده پروتئین در توالی DNA ارائه است. از فیلتر معکوس میان گذر شیست به منظور حذف نویز فرکانس بالا برده بود به عدد تخمین نواحی ژنی استفاده شده است. همچنین به منظور استخراج مؤلف تناوب - 3 در توالی DNA از گروه گورتزل استفاده می‌نماییم. الگوریتم پیشنهادی بر روی ژن F56F11.4 واقع در کروموزوم سوم از *C.elegans* اعمال و نتایج آن با سایر روش‌های موجود مقایسه است. نتایج پیاده‌سازی نشان می‌دهد که الگوریتم پیشنهادی از عملکرد بسیار خوبی در تأمین نواحی کد کننده پروتئین و خصوصاً در تعیین ژنی با ابعاد کوچک برخوردار است.

کلمات کلیدی:

نواحی کد کننده پروتئین، تناسب - 3 ، DNA فیلتر معکوس میان گذر تیز، گورتزل ، اکسون

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/227435>

