

عنوان مقاله:

بررسی تنوع ژنتیکی جمعیت های مختلف *Capparis spinosa* L

محل انتشار:

نوزدهمین کنگره ملی و هفتمین کنگره بین المللی زیست شناسی ایران (سال: 1395)

تعداد صفحات اصل مقاله: 1

نویسندگان:

هوشنگ نصرتی - گروه علوم گیاهی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز، تبریز

حنیفه اکبریان کله جاهی - گروه علوم گیاهی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز، تبریز

احمد رزبان حقیقی - مرکز تحقیقات کشاورزی و منابع طبیعی آذربایجان شرقی، تبریز

محمد علی حسینپور فیضی - گروه علوم گیاهی، دانشکده علوم طبیعی، دانشگاه تبریز، تبریز

خلاصه مقاله:

کور (Capparaceae) *Capparis spinosa* L. گیاه خزنده چندساله با ارزش غذایی و دارویی است که در مناطق مختلف استان آذربایجان شرقی انتشار دارد. این گیاه به خاطر برداشت غنچه گل و میوه توسط مردم محلی، امکان تکثیر توسط دانه در طبیعت را ندارد. در این مطالعه تنوع ژنتیکی هفت جمعیت مختلف کور با استفاده از پنج آغازگر ISSRs بررسی شدند. نتایج ما نشان داد که جمعیت های تبریز و اسکانلو به ترتیب دارای بیشترین 0/197 و کمترین 0/086 مقدار تنوع ژنتیکی هستند. حداکثر فاصله ی ژنتیکی بین جمعیت های خواجه و تبریز به میزان 0/346 و حداقل آن بین جمعیت های کلاله و قره قیه به میزان 0/044 بدست آمد. آنالیز خوشه ای جمعیت ها براساس UPGMA و تست همبستگی نشان دادند که شباهت ژنتیکی جمعیت ها با فواصل جغرافیایی آن ها ارتباط ندارد، ولی تنوع ژنتیکی جمعیت ها با ارتفاع از سطح دریا رابطه معنی داری نشان داد طوری که جمعیت های با ارتفاع بالا دارای تنوع ژنتیکی بیشتری بودند. آنالیز AMOVA نشان داد که از کل تنوع ژنتیکی، 62 درصد تنوع به درون جمعیت ها و 38 درصد به بین جمعیت ها تعلق دارند که نشان می دهد کور یک گیاه عمدتاً دگر گرده افشان است. این مطالعه نشان داد سطح تنوع ژنتیکی جمعیت های مطالعه شده کور در استان پایین است و گیاه به طور بالقوه در معرض انقراض است. این امر ضرورت اتخاذ تدابیر حفاظتی کور را در استان تاکید می کند

کلمات کلیدی:

تنوع ژنتیکی، کور، ژنتیک جمعیت ها ، *Capparis spinosa* ، ISSRs

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/687757>

