

## عنوان مقاله:

تجزیه و تحلیل مولکولی جمعیتی از مرغ بومی گردن لخت با استفاده از توالی ناحیه HVR-I ژنوم میتوکندری

## محل انتشار:

فصلنامه مطالعات محیط زیست، منابع طبیعی و توسعه پایدار، دوره 1، شماره 1 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 5

## نویسندگان:

فهیمة جمالی - دانش آموخته کارشناسی ارشد گروه علوم دامی

نصرالله پیرانی - دانشیار گروه علوم دامی

ندا میرآخوری - استادیار گروه بیوتکنولوژی

## خلاصه مقاله:

ارزیابی و حفاظت از مرغان بومی به عنوان منابع ژنتیکی، برای بهبود آنها در آینده ضروری است. یکی از راههای شناسایی این نژادها استفاده از تکنیکهای مولکولی بخصوص استفاده از ژنوم میتوکندری است. در این تحقیق تنوع ژنتیکی مرغان بومی گردن لخت با استفاده از تجزیه و تحلیل توالی ژنوم میتوکندری بررسی شد. برای انجام این تحقیق یک قطعه 455 جفت بازی از بخش HVR-I ناحیه D-loop ژنوم میتوکندری در 20 مرغ گردن لخت پس از تکثیر توسط پرایمرهای اختصاصی توالی یابی شد. در کل 2 هاپلوتیپ شناسایی شد. که این هاپلوتیپها از جانشینی 4 نوکلئوتید ایجاد شدهاند. تنوع هاپلوتیپی و تنوع نوکلئوتیدی در مرغان بومی گردن لخت به ترتیب  $0/3556 \pm 0/01591$  و  $0/0031 \pm 0/002356$  بدست آمد. برای مشخص شدن رابطه این نژاد با سایر نژادهای گرفته شده از بانک جهانی ژن و پس از رسم درخت فیلوژنی برای ناحیه موردنظر مشخص شد که مرغ گردن لخت در گروه مرغ پیلیموتراک و سونراتی قرار دارد که این نزدیکی ممکن است به دلیل مشابهت ژنتیکی نژاد گردن لخت با این نژادها باشد.

## کلمات کلیدی:

ژنوم میتوکندری، تعیین توالی، مرغ گردن لخت، فیلوژنی

## لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/707357>

