

عنوان مقاله:

شیوع مولکولی ژن های stx1, stx2, eae A, hly از اشریشیاکلی جدا شده از نمونه های مدفوع مراکز درمانی شهر رفسنجان با روش MultiplexPCR

محل انتشار:

فصلنامه علوم پیراپزشکی و بهداشت نظامی، دوره 12، شماره 4 (سال: 1396)

تعداد صفحات اصل مقاله: 7

نویسندگان:

ونوس صادقی - گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، واحد سیرجان، دانشگاه آزاد اسلامی، سیرجان، ایران

کیومرث امینی - گروه میکروبیولوژی، دانشکده علوم پایه، واحد ساوه، دانشگاه آزاد اسلامی، ساوه، ایران

خلاصه مقاله:

زمینه و هدف: اشریشیاکلی فلورنرمال مجاری گوارشی بیشتر جانوران و نیز انسان است. اغلب سویه های باکتری، بیماری را نیستند اما بعضی سویه های پاتوژنیک می توانند موجب انواعی از بیماری های روده ای و خارج روده ای شوند، که عفونت های ایجاد شده ناشی از مصرف آب و غذای آلوده می باشد. هدف از این مطالعه با توجه به اهمیت بهداشت عمومی و شناسایی عوامل حداث باکتری اشریشیاکلی، ارزیابی شیوع ژن های stx1 و stx2 و eaeA و hly در نمونه های مدفوع انسانی ضروری می باشد. مواد و روش ها: در این پژوهش 55 نمونه مدفوع انسانی دارای علائم اسهال، از بیمارستان علی بن ابیطالب (ع) رفسنجان و چند آزمایشگاه تشخیص طبی خصوصی این شهر جمع آوری شد و پس از غنی سازی و جداسازی باکتری و استخراج DNA ژن های stx1 و stx2 و eaeA و hly با روش Multiplex PCR مورد ارزیابی قرار گرفتند. یافته ها: بر طبق نتایج آزمون مولکولی از مجموع 55 نمونه انسانی، در 10 نمونه 18/1 % ژن stx2 و 3 نمونه 5/45 % ژن stx1 شناسایی شد. سایر ژن ها eae A, hly در هیچ یک از نمونه ها ردیابی نگردید. نتیجه گیری: تشخیص سویه های اشریشیاکلی با روش های مولکولی بسیار دقیق و با سرعت انجام می گردد بررسی ژن های ذکر شده در منابع مختلف دیگر و بررسی پروفایل آنتی بیوتیکی پیشنهاد می گردد.

کلمات کلیدی:

اشریشیاکلی، مدفوع، ژن های بیماری زا، Multiplex PCR

لینک ثابت مقاله در پایگاه سیویلیکا:

<https://civilica.com/doc/993514>

